

«Актуальные проблемы геномики»

Запросы на получение копий фрагментов документов просим направлять в [службу электронной доставки](#) документов БелСХБ

1. ВЛИЯНИЕ АЛЛЕЛЕЙ ПОЛИМОРФНЫХ ГЕНОВ VRIT-1, VGN И VGHR НА ПОКАЗАТЕЛИ РОСТА У КРУПНОГО РОГАТОГО СКОТА АУЛИЕКОЛЬСКОЙ ПОРОДЫ/Терлецкий В.П., Тыщенко В.И., Бейшова И.С., Белая Е.В., Поддудинская Т.В.//Успехи современной науки. 2017. Т. 2. № 4. С. 142-147.
2. ВОДЯНОЙ ОРЕХ ПЛАВАЮЩИЙ TRAPA L.: БИОЛОГИЯ, АРЕАЛ РАСПРОСТРАНЕНИЯ И ИССЛЕДОВАНИЕ ЕГО ИЗОЛИРОВАННЫХ ПОПУЛЯЦИЙ В ОЗЕРАХ НУРИМАНОВСКОГО РАЙОНА РЕСПУБЛИКИ БАШКОРТОСТАН/Кулуев Б.Р., Артюхин А.Е., Шевченко А.М., Михайлова Е.В.//Биомика. 2017. Т. 9. № 2. С. 101-118.
3. ВЫБОР ДНК МАТРИЦЫ ДЛЯ ОБОСНОВАНИЯ ПОРОГОВОГО УРОВНЯ ТЕХНИЧЕСКИ НЕУСТРАНИМЫХ ПРИМЕСЕЙ МЯСА ПТИЦЫ В ГОТОВОЙ МЯСНОЙ ПРОДУКЦИИ/Минаев М.Ю., Солодовникова Г.И., Курбаков К.А.//Теория и практика переработки мяса. 2017. Т. 2. № 1. С. 27-36.
4. ГЕНЕТИКО-БИОТЕХНОЛОГИЧЕСКИЕ МЕТОДЫ В СЕЛЕКЦИИ СЕЛЬСКОХОЗЯЙСТВЕННЫХ КУЛЬТУР/Привалов Ф., Гордей С.//Наука и инновации. 2016. Т. 6. № 160. С. 12-17.
5. ГЕНЕТИЧЕСКАЯ ЗАЩИТА РАСТЕНИЙ: ПРОБЛЕМЫ И ПЕРСПЕКТИВЫ/Афанасенко О.С.//Защита и карантин растений. 2016. № 1. С. 13-16.
6. ГЕНЕТИЧЕСКАЯ СТРУКТУРА ПОГОЛОВЬЯ БЫКОПРОИЗВОДЯЩИХ КОРОВ АУЛИЕКОЛЬСКОЙ И КАЗАХСКОЙ БЕЛОГОЛОВЫЙ ПОРОД ПО ПОЛИМОРФНЫМ ВАРИАНТАМ ГЕНОВ VRIT-1, VGN, VGHR/Бейшова И.С., Белая Е.В., Усенбеков Е.С., Терлецкий В.П., Крутикова А.А., Поддудинская Т.В.//Успехи современной науки. 2017. Т. 9. № 3. С. 37-42.
7. ГЕНЕТИЧЕСКАЯ ХАРАКТЕРИСТИКА БАЛКАРЦЕВ И КАРАЧАЕВЦЕВ ПО ДАННЫМ ОБ ИЗМЕНЧИВОСТИ Y-ХРОМОСОМЫ/Джаубермезов М.А., Екомасова Н.В., Литвинов С.С., Хусаинова Р.И., Ахметова В.Л., Балинова Н.В., Хуснутдинова Э.К.//Генетика. 2017. Т. 53. № 10. С. 1224-1231.
8. ГЕНОМНАЯ СЕЛЕКЦИЯ В ОВЦЕВОДСТВЕ/Селионова М.И., Скорых Л.Н., Фомина И.О., Сафонова Н.С.//Сборник научных трудов Всероссийского научно-исследовательского института овцеводства и козоводства. 2017. Т. 1. № 10. С. 275-280.
9. ГЕНОМНОЕ РЕДАКТИРОВАНИЕ КАК ПЕРСПЕКТИВНЫЙ ПОДХОД К СОЗДАНИЮ ГЕННО-ИНЖЕНЕРНЫХ СЕЛЬСКОХОЗЯЙСТВЕННЫХ ЖИВОТНЫХ/Дейкин А.В., Кирикович Ю.К., Коваленко Д.В.//Сборник научных трудов Всероссийского научно-исследовательского института овцеводства и козоводства. 2016. Т. 1. № 9. С. 424-426.
10. ГЕНЫ СЕЛЬСКОХОЗЯЙСТВЕННЫХ РАСТЕНИЙ, МОДИФИЦИРОВАННЫЕ С ПОМОЩЬЮ СИСТЕМЫ CRISPR/CAS/Короткова А.М., Герасимова С.В., Шумный В.К., Хлесткина Е.К.//Вавиловский журнал генетики и селекции. 2017. Т. 21. № 2. С. 250-258.
11. ГЕТЕРОГЕННАЯ СТРУКТУРА САХАРНОГО ДИАБЕТА В ДЕТСКОМ ВОЗРАСТЕ НА СОВРЕМЕННОМ ЭТАПЕ/Будылина М.В., Родионов В.А., Иванова О.Н., Максимова Т.Ю., Егорова И.Н., Тарасова Н.Г., Колоярцева Е.М., Аbruкова А.В.//Acta Medica Eurasica. 2017. № 3. С. 1-12.
12. ГОМЕОЛОГИЧНЫЕ ГЕНЫ TRITICUM AESTIVUM L.: СТРУКТУРНЫЕ ХАРАКТЕРИСТИКИ И ДИФФЕРЕНЦИАЛЬНАЯ АКТИВНОСТЬ/Сулкарнаева А.Г., Шитикова В.В., Минибаева Ф.В.//Ученые записки Казанского университета. Серия: Естественные науки. 2017. Т. 159. № 2. С. 321-331.
13. ИНТЕНСИФИКАЦИЯ СЕЛЕКЦИОННОГО ПРОЦЕССА НА ОСНОВЕ ДНК-ТЕСТИРОВАНИЯ/Кононова Л.В., Смирнова Л.М.//Известия Горского государственного аграрного университета. 2016. Т. 53. № 2. С. 162-166.
14. ИССЛЕДОВАНИЕ И РАЗРАБОТКА МЕТОДА КОНТРОЛЯ ПАТОГЕННЫХ ПРИОННЫХ ИНФЕКЦИЙ ПОБОЧНОГО СЫРЬЯ МЯСНОЙ ПРОМЫШЛЕННОСТИ/Просеков А.Ю., Кригер О.В.//Теория и практика переработки мяса. 2016. Т. 1. № 3. С. 14-20.
15. ИССЛЕДОВАНИЕ ЭТИЧЕСКИХ ПРОБЛЕМ ГЕНЕТИКИ В ОТЕЧЕСТВЕННОЙ ФИЛОСОФСКОЙ ТРАДИЦИИ (К ИСТОРИИ ИДЕИ БИОТЕХНОЛОГИЧЕСКОГО КОНСТРУИРОВАНИЯ ЧЕЛОВЕКА)/Попова О.В.//Знание. Понимание. Умение. 2017. № 3. С. 20-30.

16. КЛЕТочНЫЕ МОДЕЛИ, ГЕНОМНЫЕ ТЕХНОЛОГИИ И КЛИНИЧЕСКАЯ ПРАКТИКА: СИНТЕЗ ЗНАНИЙ ДЛЯ ИССЛЕДОВАНИЯ МЕХАНИЗМОВ, ДИАГНОСТИКИ И ТЕРАПИИ БОЛЕЗНИ ПАРКИНСОНА/Коваленко В.Р., Хабарова Е.А., Рзаев Д.А., Медведев С.П.//Гены и клетки. 2017. Т. 12. № 2. С. 11-28.
17. МЕДИКО-ЭТИЧЕСКИЕ АСПЕКТЫ ГЕНОТЕРАПИИ/Ворфоломеев С.А., Юпатов В.Д., Ялиева Л.К., Фахрудинова Э.Р.//Бюллетень медицинских интернет-конференций. 2017. Т. 6. № 1. С. 61-62.
18. МОЛЕКУЛЯРНО-ГЕНЕТИЧЕСКАЯ РЕГУЛЯЦИЯ АПОМИКСИСА/Брюхин В.Б.//Генетика. 2017. Т. 53. № 9. С. 1001-1024.
19. МУЛЬТИРЕЗИСТЕНТНОСТЬ БАКТЕРИЙ К ВЕТЕРИНАРНЫМ АНТИБИОТИКАМ В ОБРАЗЦАХ НАВОЗА И ПОМЕТА СЕЛЬСКОХОЗЯЙСТВЕННЫХ ЖИВОТНЫХ/Данилова Н.В., Галицкая П.Ю., Селивановская С.Ю.//Ученые записки Казанского университета. Серия: Естественные науки. 2016. Т. 158. № 4. С. 507-516.
20. НОВЫЙ ШТАММ БАКТЕРИЙ RAENIBACILLUS SP. ИБ-1 – ПРОДУЦЕНТ ЭКЗОПОЛИСАХАРИДА И БИОЛОГИЧЕСКИ АКТИВНЫХ ВЕЩЕСТВ С ФИТОГОРМОНАЛЬНОЙ И АНТИГРИБНОЙ АКТИВНОСТЬЮ/Бакаева М.Д., Четвериков С.П., Коршунова Т.Ю., Логинов О.Н.//Прикладная биохимия и микробиология. 2017. Т. 53. № 2. С. 204-212.
21. О ПРИРОДЕ ЧЕЛОВЕКА (ВСЛЕД ЗА Д.К. БЕЛЯЕВЫМ)/Маркель А.Л.//Вавиловский журнал генетики и селекции. 2017. Т. 21. № 4. С. 492-500.
22. ОТЗЫВЧИВОСТЬ СОРТОВ РИСА ДАЛЬНЕВОСТОЧНОЙ СЕЛЕКЦИИ НА КУЛЬТУРУ ПЫЛЬНИКОВ/Илюшко М.В.//Дальневосточный аграрный вестник. 2016. № 1 (37). С. 22-24.
23. ПЕРСПЕКТИВНЫЕ НАПРАВЛЕНИЯ В СЕЛЕКЦИИ ЯЧМЕНЯ/Филиппов Е.Г., Донцова А.А., Донцов Д.П.//Таврический вестник аграрной науки. 2016. № 2 (6). С. 129-137.
24. ПОЛИМЕРНОЕ ВЗАИМОДЕЙСТВИЕ ГЕНОВ SHY2 И MSG1, NPR4 И IAR2 ПРИ НАСЛЕДОВАНИИ ПРИЗНАКОВ КОРНЕВОЙ СИСТЕМЫ ARABIDOPSIS THALIANA (L.) HEYNH/Хаблак С.Г.//Вавиловский журнал генетики и селекции. 2017. Т. 21. № 2. С. 227-233.
25. ПОЛИМОРФИЗМ ГЕНА ГОРМОНА РОСТА СЕВЕРНЫХ ОЛЕНЕЙ/Крутикова А.А., Дементьева Н.В., Митрофанова О.В., Позовникова М.В., Гончаров В.В.//Генетика и разведение животных. 2016. № 2. С. 8-12.
26. САМОРЕГУЛИРУЕМАЯ ПОЗНАВАТЕЛЬНАЯ ДЕЯТЕЛЬНОСТЬ: ПОНИМАНИЕ И АНТРОПОЛОГИЧЕСКАЯ СУЩНОСТЬ/Пустовойтов В.Н.//Наука и современность. 2017. № 1 (11). С. 95-104.
27. СОЦИАЛЬНАЯ ГЕНЕТИКА ПИТИРИМА АЛЕКСАНДРОВИЧА СОРОКИНА/Мишина О.К.//Генетическая социология XXI. 2017. № 1 (4). С. 138-144.
28. СТРАТЕГИЯ ДИФФЕРЕНЦИАЦИИ ИНФИЦИРОВАННЫХ И ВАКЦИНИРОВАННЫХ ЖИВОТНЫХ ПРИ ИНФЕКЦИОННОМ РИНОТРАХЕИТЕ КРУПНОГО РОГАТОГО СКОТА/Вялых И.В., Шилова Е.Н., Порываева А.П., Томских О.Г., Кадочников Д.М.//Вопросы нормативно-правового регулирования в ветеринарии. 2017. № 3. С. 34-36.
29. ЭКСПРЕССИЯ ГЕНА АНТИМИКРОБНОГО ПЕПТИДА БОМБИНИНА ПОВЫШАЕТ УСТОЙЧИВОСТЬ ТРАНСГЕННЫХ РАСТЕНИЙ ТАБАКА К ФИТОПАТОГЕНАМ/Захарченко Н.С., Пиголева С.В., Фурс О.В., Шевчук Т.В., Дьяченко О.В., Бурьянов Я.И.//Биотехнология. 2017. Т. 33. № 4. С. 20-27.
30. ЭКСПРЕССИЯ ГЕНОВ СТРЕССОВЫХ БЕЛКОВ И ИДЕНТИФИКАЦИЯ МОЛЕКУЛЯРНЫХ МАРКЕРОВ УСТОЙЧИВОСТИ РАСТЕНИЙ К ПОВЫШЕННЫМ ТЕМПЕРАТУРАМ И ЗАСУХЕ/Хохлова Л.П.//Ученые записки Казанского университета. Серия: Естественные науки. 2016. Т. 158. № 2. С. 225-238.
31. Detection of multiple parallel transmission outbreak of Streptococcus suis human infection by use of genome epidemiology.
By: Pengcheng Du, Han Zheng, Jieping Zhou, Ruiting Lan, Changyun Ye, Huaqi Jing, Dong Jin, Zhigang Cui, Xuemei Bai, Jianming Liang, Jiantao Liu, Lei Xu, Wen Zhang, Chen Chen, Jianguo Xu. Emerging Infectious Diseases. Vol. 23 (2), 2017. 204–211., База данных: FSTA - Food Science and Technology Abstracts
32. Extensive homologous genome exchanges in allopolyploid crops revealed by mRNAseq-based visualization.
By: He ZheSi; Wang LiHong; Harper, A. L.; Havlickova, L.; Pradhan, A. K.; Parkin, I. A. P.; Bancroft, I.; Plant Biotechnology Journal; 15(5), Oxford:Wiley,2017,594-604(Journal Article), База данных: CAB Abstracts 1990-Present
33. Genomic selection and its application in animal breeding
By: Ibtisham, Fahar; Li Zhang; Mei Xiao; Lilong An; Bilal Ramzan, Muhammad; Aamir Nawab; Yi Zhao; Guanghui Li; YingMei Xu. Thai Journal of Veterinary Medicine, 2017, Vol. 47 Issue 3, p301-310, 10p. Publisher: Thai Journal of Veterinary Medicine., База данных: Complementary Index

34. How much is that in dog years? The advent of canine population genomics..
By: Larson, G.; Bradley, D. G.; PLoS Genetics; 10(1), San Francisco:Public Library of Sciences (PLoS),2014,1004093(Journal Article), База данных: CAB Abstracts 1990-Present
35. Investigation of outbreaks of Salmonella enterica serovar Typhimurium and its monophasic variants using whole-genome sequencing, Denmark.
By: Pengcheng Du, Han Zheng, Jieping Zhou, Ruiting Lan, Changyun Ye, Huaiqi Jing, Dong Jin, Zhigang Cui, Xuemei Bai, Jianming Liang, Jiantao Liu, Lei Xu, Wen Zhang, Chen Chen, Jianguo Xu. Emerging Infectious Diseases. Vol. 23 (2), 2017. 204–211., База данных: FSTA - Food Science and Technology Abstracts
36. Lactobacillus plantarum WCFS1 and its host interaction: a dozen years after the genome.
By: Alimba, C. G., Dhillon, V., Bakare, A. A., Fenech, M.. Mutation Research -- Genetic Toxicology and Environmental Mutagenesis. Vol. 798-799, 2016. 35–47., База данных: FSTA - Food Science and Technology Abstracts
37. Metabolomic profiling and genomic analysis of wheat aneuploid lines to identify genes controlling biochemical pathways in mature grain..
By: Francki, M. G., Hayton, S., Gummer, J. P. A., Rawlinson, C., Trengove, R. D.. Plant Biotechnology Journal. Vol. 14 (2), 2016. 649–660., База данных: FSTA - Food Science and Technology Abstracts
38. Narrowing down the single homoeologous FaPFRU locus controlling flowering in cultivated octoploid strawberry using a selective mapping strategy..
By: Perrotte, J., Gaston, A., Potier, A., Petit, A., Rothan, C., Denoyes, B.. *Plant Biotechnology Journal*. Vol. 14 (11), 2016. 2176–2189., База данных: FSTA - Food Science and Technology Abstracts
39. Notes from a Revolution: Lessons from the Human Genome Project.
By: GALAS, DAVID J.; PATRINOS, ARISTIDES; DELISI, CHARLES. Issues in Science & Technology, Spring2017, Vol. 33 Issue 3, p57-62, 6p, База данных: Applied Science & Technology Source Ultimate
40. Persistence of lineage IV Peste-des-petits ruminants virus within Israel since 1993: an evolutionary perspective
By: Clarke, B.; Mahapatra, M.; Friedgut, O.; Bumbarov, V.; Parida, S.; PLoS ONE; 12(5), San Francisco:Public Library of Sciences (PLoS),2017,e0177028(Journal Article), База данных: CAB Abstracts 1990-Present
41. Real-time whole-genome sequencing for surveillance of Listeria monocytogenes, France.
By: Moura, A., Tourdjman, M., Leclercq, A., Hamelin, E., Laurent, E., Fredriksen, N., Cauteren, D. van, Bracq-Dieye, H., Thouvenot, P., Vales, G., Tessaud-Rita, N., Maury, M. M., Alexandru, A., Criscuolo, A., Quevillon, E., Donguy, M. P., Enouf, V., Valk, H. de, Brisse, S., Lecuit, M.. Emerging Infectious Diseases. Vol. 23 (9), September 2017. 1462–1470., База данных: FSTA - Food Science and Technology Abstracts
42. Recent advances and future options for New Zealand agriculture derived from animal cloning and transgenics.
By: Laible, G.; Wells, D. N.; New Zealand Journal of Agricultural Research; 50(2), Wellington:Royal Society of New Zealand,2007,103-124(Journal Article), База данных: CAB Abstracts 1990-Present
43. Reconstruction of genome-scale metabolic models for 126 human tissues using mCADRE.
By: Yuliang Wang; Eddy, James A.; Price, Nathan D. BMC Systems Biology. 2012, Vol. 6 Issue 1, p1-16. 16p. 2 Diagrams, 5 Charts, 3 Graphs. DOI: 10.1186/1752-0509-6-153. , База данных: Academic Search Ultimate
44. Relationship between homoeologous regulatory and structural genes in allopolyploid genome. A case study in bread wheat.
By: Khlestkina, E. K., Roder, M. S., Salina, E. A.. BMC Plant Biology. Vol. 8 (Aug.), 2008. , База данных: FSTA - Food Science and Technology Abstracts
45. RNA interference-based technology: what role in animal agriculture?..
By: Bradford, B. J.; Cooper, C. A.; Tizard, M. L.; Doran, T. J.; Hinton, T. M.; Animal Production Science; 57(1), Collingwood:CSIRO,2017,1-15(Journal Article), База данных: CAB Abstracts 1990-Present
46. Significant enhancement of fatty acid composition in seeds of the allohexaploid, Camelina sativa, using CRISPR/Cas9 gene editing..
By: Jiang, W. Z., Henry, I. M., Lynagh, P. G., Comai, L., Cahoon, E. B., Weeks, D. P.. Plant Biotechnology Journal. Vol. 15 (5), May 2017. 648–657., База данных: FSTA - Food Science and Technology Abstracts
47. Statistical and computational challenges in whole genome prediction and genome-wide association analyses for plant and animal breeding.
By: Tempelman, R. J.; Journal of Agricultural, Biological, and Environmental Statistics; 20(4), New York:Springer,2015,442-466(Journal Article), База данных: CAB Abstracts 1990-Present

48. Use of designer nucleases for targeted gene and genome editing in plants..
By: Weeks, D. P.; Spalding, M. H.; Yang Bing; Plant Biotechnology Journal; 14(2), Oxford:Wiley-Blackwell,2016,483-495(Journal Article), База данных: CAB Abstracts 1990-Present
49. Vitamin B12 and methionine deficiencies induce genome damage measured using the cytokinesis-block micronucleus cytome assay in human B lymphoblastoid cell lines
By: Xiayu Wu, Jiaoni Cheng, Lin Lu. Nutrition and Cancer. Vol. 65 (6), 2013. 866–873., База данных: FSTA - Food Science and Technology Abstracts
50. Expression of a chimeric human/salmon calcitonin gene integrated into the *Saccharomyces cerevisiae* genome using rDNA sequences as recombination sites.
By: Sun, Hengyi; Zang, Xiaonan; Liu, Yuantao; Cao, Xiaofei; Wu, Fei; Huang, Xiaoyun; Jiang, Minjie; Zhang, Xuecheng. Applied Microbiology & Biotechnology, Dec2015, Vol. 99 Issue 23, p10097-10106, 10p; DOI: 10.1007/s00253-015-6834-4, База данных: Applied Science & Technology Source Ultimate