

«Геномные биотехнологии для сельского хозяйства»

Запросы на получение копий фрагментов документов просим направлять в [службу электронной доставки](#) документов БелСХБ

1. АССОЦИАЦИЯ НЕСИНОНИМИЧНОЙ ЗАМЕНЫ В ГЕНЕ КОНДЕНСИНА NSARG С ПРИЗНАКАМИ ЯЙЦА КУР-НЕСУШЕК/Баркова О.Ю., Смарагдов М.Г.//Вавиловский журнал генетики и селекции. 2016. Т. 20. № 1. С. 34-38.
2. БИОТЕХНОЛОГИЯ ВЫРАЩИВАНИЯ ВЕСЛОНОСА. ВЕСЛОНОС КАК ОБЪЕКТ ПРУДОВОГО РЫБОВОДСТВА/Алиева Е.М., Гусейнов А.Д., Алиева Р.М., Саидгаджиев А.С.//Горное сельское хозяйство. 2016. № 3. С. 178-181.
3. БИОТЕХНОЛОГИЯ ПРОИЗВОДСТВА L-АРГИНИНА ИЗ ХВОИ СОСНЫ ДЛЯ ИСПОЛЬЗОВАНИЯ В МЕДИЦИНСКОЙ И ВЕТЕРИНАРНОЙ ПРАКТИКЕ/Зайцева М.И., Колесников Г.Н., Робонен Е.А., Чернобровкина Н.П.//Успехи современной науки. 2016. Т. 4. № 9. С. 123-125.
4. БИОТЕХНОЛОГИЯ ФУНКЦИОНАЛЬНОГО КИСЛОМОЛОЧНОГО ПРОДУКТА С РАЗНЫМ СООТНОШЕНИЕМ ПРОБИОТИЧЕСКИХ КУЛЬТУР/Красникова Л.В., Сибирцев В.С., Скобелева И.И.//Известия Санкт-Петербургского государственного технологического института (технического университета). 2016. № 35 (61). С. 60-63.
5. ВЫДЕЛЕНИЕ НОВЫХ ШТАММОВ-ДЕСТРУКТОРОВ ЦЕЛЛЮЛОЗЫ, ИХ РОЛЬ В СНИЖЕНИИ АНТРОПОГЕННОЙ НАГРУЗКИ НА ЭКОСИСТЕМУ/Шмидт К.Н., Худайгулов Г.Г.//Вестник Южно-Уральского государственного университета. Серия: Пищевые и биотехнологии. 2016. Т. 4. № 4. С. 54-63.
6. ВЫРАЩИВАНИЕ МЕРИКЛОНОВ ВИНОГРАДА В НЕСТЕРИЛЬНЫХ УСЛОВИЯХ/Цаценко Н.Н., Браткова Л.Г., Малыхина А.Н., Машенко М.Н.//Плодоводство и виноградарство Юга России. 2017. № 43 (01). С. 30-41.
7. ГЕНЕТИКО-БИОТЕХНОЛОГИЧЕСКИЕ МЕТОДЫ В СЕЛЕКЦИИ СЕЛЬСКОХОЗЯЙСТВЕННЫХ КУЛЬТУР/Привалов Ф., Гордей С.//Наука и инновации. 2016. Т. 6. № 160. С. 12-17.
8. ГЕНЕТИЧЕСКИЕ МАРКЕРЫ В МЯСНОМ ОВЦЕВОДСТВЕ/Дейкин А.В., Селионова М.И., Криворучко А.Ю., Коваленко Д.В., Трухачев В.И.//Вавиловский журнал генетики и селекции. 2016. Т. 20. № 5. С. 576-583.
9. ГЕНОМНОЕ РЕДАКТИРОВАНИЕ КАК ПЕРСПЕКТИВНЫЙ ПОДХОД К СОЗДАНИЮ ГЕННО-ИНЖЕНЕРНЫХ СЕЛЬСКОХОЗЯЙСТВЕННЫХ ЖИВОТНЫХ/Дейкин А.В., Кирикович Ю.К., Коваленко Д.В.//Сборник научных трудов Всероссийского научно-исследовательского института овцеводства и козоводства. 2016. Т. 1. № 9. С. 424-426.
10. ДИФФЕРЕНЦИАЦИЯ СОРТОВ ОЗИМОЙ МЯГКОЙ ПШЕНИЦЫ (TRITICUM AESTIVUM L.) ПО УСТОЙЧИВОСТИ К НАИБОЛЕЕ ВРЕДНОСНЫМ ВОЗБУДИТЕЛЯМ ГРИБНЫХ БОЛЕЗНЕЙ/Киселева М.И., Коломиец Т.М., Пахолкова Е.В., Жемчужина Н.С., Любич В.В.//Сельскохозяйственная биология. 2016. Т. 51. № 3. С. 299-309.
11. ИСПОЛЬЗОВАНИЕ ПРОБИОТИКОВ ВИТАФОРТ И ЛАКТОБИФАДОЛ ПРИ ВЫРАЩИВАНИИ ИНДЮШАТ/Хабиров А.Ф., Хазиахметов Ф.С., Авзалов Р.Х.//Известия Оренбургского государственного аграрного университета. 2016. № 4 (60). С. 159-161.
12. НЕКОТОРЫЕ АСПЕКТЫ МИНЕРАЛЬНОГО ОБМЕНА И ПРОДУКТИВНОСТЬ У МОЛОДНЯКА СВИНЕЙ ПРИ СКАРМЛИВАНИИ ПРОБИОТИЧЕСКИХ ДОБАВОК/Талызина Т.Л., Коптева Ю.С., Гамко Л.Н., Крапивина Е.В.//Зоотехния. 2016. № 5. С. 22-24.

13. ОБЕЗВРЕЖИВАНИЕ ОТХОДОВ МЕТОДОМ ЭКОЛОГИЧЕСКОЙ БИОТЕХНОЛОГИИ/Корчевская Ю.В., Кадысева А.А., Горелкина Г.А., Маджугина А.А., Троценко И.А.//Вестник Алтайского государственного аграрного университета. 2016. № 3 (137). С. 170-173.
14. ОСОБЕННОСТИ АККУМУЛЯЦИИ АЗОТА МНОГОЛЕТНИМИ БОБОВЫМИ ТРАВАМИ В ЧИСТЫХ И СМЕШАННЫХ ПОСЕВАХ В ВЕРХНЕВОЛЖЬЕ/Эседуллаев С.Т., Шмелева Н.В.//Плодородие. 2016. № 6 (93). С. 16-18.
15. ОТБОР ПРЕДСЕЛЕКЦИОННОГО МАТЕРИАЛА РИСА С ОКРАШЕННЫМ ПЕРИКАРПОМ НА ОСНОВЕ ГЕНОТИПИРОВАНИЯ ПО ГЕНАМ RC И RV/Рысбекова А.Б., Казкеев Д.Т., Усенбеков Б.Н., Мухина Ж.М., Жанбырбаев Е.А., Сартбаева И.А., Жамбакин К.Ж., Беркимбай Х.А., Батаева Д.С.//Генетика. 2017. Т. 53. № 1. С. 43-53.
16. ПОЛИМОРФИЗМ ГЕНА CSN3 СИММЕНТАЛЬСКОЙ ПОРОДЫ СКОТА РАЗНЫХ ЭКОЛОГО-ГЕОГРАФИЧЕСКИХ ЗОН И СВЯЗЬ ГЕНОТИПОВ С ПРОДУКТИВНОСТЬЮ/Гончаренко Г.М., Гришина Н.Б., Плахина О.В., Бексеитов Т.К.//Сибирский вестник сельскохозяйственной науки. 2016. № 6 (263). С. 47-53.
17. ПОЛНОГЕНОМНЫЙ АНАЛИЗ АССОЦИАЦИЙ С ПРОДУКТИВНЫМИ И РЕПРОДУКТИВНЫМИ ПРИЗНАКАМИ У МОЛОЧНОГО СКОТА В РОССИЙСКОЙ ПОПУЛЯЦИИ ГОЛШТИНСКОЙ ПОРОДЫ/Сермягин А.А., Гладырь Е.А., Харитонов С.Н., Ермилов А.Н., Стрекозов Н.И., Брем Г., Зиновьева Н.А.//Сельскохозяйственная биология. 2016. Т. 51. № 2. С. 182-193.
18. ПУТИ СНИЖЕНИЯ ВЛИЯНИЯ НЕБЛАГОПРИЯТНЫХ КОРМОВЫХ ФАКТОРОВ НА ОРГАНИЗМ ЖИВОТНЫХ/Кононенко С.И.//Политематический сетевой электронный научный журнал Кубанского государственного аграрного университета. 2016. № 119. С. 293-312.
19. РЕТРОСПЕКТИВНЫЙ АНАЛИЗ И МОДЕЛИРОВАНИЕ ХРОМОСОМНОЙ ИЗМЕНЧИВОСТИ ПРИ МОНИТОРИНГЕ/Басонов О.А., Красавцев Ю.Ф., Козминская А.С.//Вестник Ульяновской государственной сельскохозяйственной академии. 2016. № 2 (34). С. 113-116.
20. РИСК ДЛЯ ЗДОРОВЬЯ НОВОРОЖДЕННЫХ И ДЕТЕЙ ОТ УПОТРЕБЛЕНИЯ ГЕНЕТИЧЕСКИ ИЗМЕНЕННЫХ ПРОДУКТОВ (ГИ) ПИТАНИЯ/Зейналов М.А.//Рациональное питание, пищевые добавки и биостимуляторы. 2016. № 3. С. 19-21.
21. СЕЛЕКЦИЯ НОВЫХ СОРТОВ КАРТОФЕЛЯ ТРАДИЦИОННЫМИ МЕТОДАМИ ОТБОРА В СОЧЕТАНИИ С СОВРЕМЕННОЙ БИОТЕХНОЛОГИЕЙ/Партоев К., Давлятназарова З.Б., Алиев К.//Доклады Академии наук Республики Таджикистан. 2016. Т. 59. № 9-10. С. 434-439.
22. СИСТЕМА CRISPR/CAS9 - УНИВЕРСАЛЬНЫЙ ИНСТРУМЕНТ ГЕНОМНОЙ ИНЖЕНЕРИИ/Смирнов А.В., Юнусова А.М., Лукьянчикова В.А., Баттулин Н.Р.//Вавиловский журнал генетики и селекции. 2016. Т. 20. № 4. С. 493-510.
23. СОВРЕМЕННЫЕ ТЕНДЕНЦИИ РАЗВИТИЯ МИРОВОГО РЫНКА АГРАРНОЙ БИОТЕХНОЛОГИЧЕСКОЙ ПРОДУКЦИИ/Школяренко А.М.//Вестник МГИМО Университета. 2016. № 3 (48). С. 66-74.
24. СОРБЕНТ «ФИТОСОРБ», ПРОБИОТИКИ «СПАС» И «ЭНТЕРОСПОРИН» ДЛЯ ПРОФИЛАКТИКИ МИКОТОКСИКОЗОВ ЖИВОТНЫХ/Коростелева В.П., Тремасов М.Я., Семенов Э.И., Тремасова А.М., Сагдеева З.Х.//Ветеринарный врач. 2016. № 5. С. 3-8.
25. СРАВНИТЕЛЬНЫЙ АНАЛИЗ РЕЗУЛЬТАТОВ ОЦЕНКИ БЫКОВ-ПРОИЗВОДИТЕЛЕЙ С ИСПОЛЬЗОВАНИЕМ РАЗНЫХ МЕТОДОВ/Иванов В.А., Попов Н.А., Марзанов Н.С.//Проблемы биологии продуктивных животных. 2016. № 4. С. 69-80.
26. ЭНЕРГОСБЕРЕГАЮЩАЯ БИОТЕХНОЛОГИЯ ПОЛУЧЕНИЯ ПОРОШКООБРАЗНЫХ ПРЕПАРАТОВ ИЗ БИОМАССЫ ФОТОАВТОТРОФНЫХ МИКРООРГАНИЗМОВ/Шевцов А.А., Дранников А.В., Тертычная Т.Н., Шабунина Е.А., Мажулина И.В.//Известия Тимирязевской сельскохозяйственной академии. 2016. № 6. С. 98-107.

27. ЭФФЕКТИВНАЯ ОТЕЧЕСТВЕННАЯ БИОТЕХНОЛОГИЯ ДЛЯ ЗЕРНОБОБОВЫХ КУЛЬТУР//АгроСнабФорум. 2016. № 1 (140). С. 44-45.
28. ЭФФЕКТИВНОСТЬ ИСПОЛЬЗОВАНИЯ ПРОБИОТИКОВ ПРИ ВЫРАЩИВАНИИ ГУСЯТ-БРОЙЛЕРОВ/Исхакова А.Р.//Российский электронный научный журнал. 2016. № 1 (19). С. 230-238.
29. BIOTECHNOLOGY OF NATIONAL BACTERIAL PREPARATIONS FOR THE DAIRY INDUSTRY OF UKRAINE/Slyvka M., Tsisaryk O.Y.//Науковий вісник Львівського національного університету ветеринарної медицини та біотехнологій імені С.З. Ґжицького. 2016. Т. 18. № 2-3 (68). С. 103-110.
30. SUBSTANTIATION OF THE USE OF PHYTOBITICS TO CORRECT PROTECTIVE FUNCTIONS OF SWINE BODY/Molchanov A.A., Zhukova I.O., Antipin S.L.//Науковий вісник Львівського національного університету ветеринарної медицини та біотехнологій імені С.З. Ґжицького. 2016. Т. 18. № 1-3 (65). С. 76-81.
31. Genomics for natural product discovery : An annotated selection of World Wide Web sites relevant to the topics in microbial biotechnology.
By: Wackett, Lawrence P.. In: Microbial Biotechnology. March 2016, Vol. 9 Issue 2, p275, 2 p.; Wiley Subscription Services, Inc. Language: English, База данных: InfoTrac Health Reference Center Academic.
32. Genome Analysis of the Biotechnologically Relevant Acidophilic Iron Oxidising Strain JA12 Indicates Phylogenetic and Metabolic Diversity within the Novel Genus "Ferrovum".
(English) ; Abstract available. By: Ullrich SR; Poehlein A; Tischler JS; González C; Ossandon FJ; Daniel R; Holmes DS; Schlömann M; Mühling M, Plos One [PLoS One], ISSN: 1932-6203, 2016 Jan 25; Vol. 11 (1).
33. Erratum: SorGSD: a sorghum genome SNP database (Biotechnology for Biofuels (2016) 9:6 DOI: 10.1186/s13068-015-0415-8).
By: Luo, H.; Xia, Y.; Wu, X.; Zhang, L.; Jing, H.-C.; Zhao, W.; Wang, Y.; Tang, B.; Zhu, J.; Fang, L.; Du, Z.; Bekele, W.A.; Snowdon, R.J.; Tai, S.; Jordan, D.R.; Godwin, I.D.; Mace, E.S.; Luo, J.. Biotechnology for Biofuels, 15 February 2016, 9(1).
34. Synthetic Genomics team engineers Vmax™, an advantaged next-generation host organism for a wide range of biotechnology applications.
SYNTHETIC-GENOMICS By: PR Newswire. PR Newswire US. 08/29/2016.
35. Retraction Note to: Genome sequence and genome mining of a marine-derived antifungal bacterium Streptomyces sp. M10(Appl Microbiol Biotechnol, (2015), 99, 2763-2772, Doi:10.1007/s00253-015-6453-0).
By: Tang, J.; Peng, J.; Zhang, Y.; Liu, X.; Tang, Y.. Applied Microbiology and Biotechnology, 1 January 2016, 100(1):519 .
36. Glutamyl Aminopeptidase - Pipeline Review, H2 2016 - Key Vendors are APAvadis Biotechnologies & Quantum Genomics - Research and Markets.
By: Research and Markets. Business Wire (English). 10/27/2016.
37. Biochip Market Analysis by Type, Genotyping, Genomics, Drug Discovery, Agricultural Biotechnology, Proteomics, Expression Profiling, High Throughput Screening), by End Use, and Segment Forecasts to 2024 .
REPORTLINKER-Biochip- By: PR Newswire. PR Newswire US. 09/22/2016.
38. Genome Editing Global Market to Grow 31.1% by 2022 - Increased R&D Expenditure in Biotechnology & Pharmaceutical Industries - Research and Markets.
By: Research and Markets. Business Wire (English). 09/22/2016.
39. Cofactor Genomics Acquires San Francisco Based Narus Biotechnologies
By: Cofactor Genomics. Business Wire (English). 02/04/2016.
40. Manage Complexity and Uncertainty in Biotechnological Innovations: Converting Theoretical Advances Into Opportunities.
41. By: Baert, Jonathan. Journal of Commercial Biotechnology. Apr2016, Vol. 22 Issue 2, p19-26. 8p. DOI: 10.5912/jcb737.
42. Rapid, precise quantification of bacterial cellular dimensions across a genomic-scale knockout library.
By: Tristan Ursell; Timothy K. Lee; Daisuke Shiomi; Shi, Handuo; Tropini, Carolina; Monds, Russell D.; Colavin, Alexandre; Billings, Gabriel; Bhaya-Grossman, Ilina; Broxton, Michael; Huang, Bevan Emma; Niki, Hironori; Huang, Kerwyn Casey. BMC Biology. 2/21/2017, Vol. 15, p1-15. 15p.

43. A quick and reliable method for genomewide host factor screening of *Saccharomyces cerevisiae* killer toxins. GREITAS IR PATIKIMAS ŠEIMININKO VEIKSNIŲ, MODULIUOJANČIŲ MIELIŲ ŽUDANČIŲ TOKSINIŲ POVEIKJ, ATRANKOS METODAS. By: Servienė, Elena; Lukša, Juliana; Vepškaitė-Monstavičė, Iglė; Urbonavičius, Jaunius. *Biologija*. 2016, Vol. 62 Issue 4, p268-275. 8p. 2 Color Photographs, 2 Diagrams, 1 Graph.
44. A quick and reliable method for genomewide host factor screening of *Saccharomyces cerevisiae* killer toxins. GREITAS IR PATIKIMAS ŠEIMININKO VEIKSNIŲ, MODULIUOJANČIŲ MIELIŲ ŽUDANČIŲ TOKSINIŲ POVEIKJ, ATRANKOS METODAS. By: Servienė, Elena; Lukša, Juliana; Vepškaitė-Monstavičė, Iglė; Urbonavičius, Jaunius. *Biologija*. 2016, Vol. 62 Issue 4, p268-275.
45. Essential Features of Responsible Governance of Agricultural Biotechnology. By: Hartley, Sarah; Gillund, Frøydis; van Hove, Lilian; Wickson, Fern. *PLoS Biology*. 5/4/2016, Vol. 14 Issue 5, p1-7. 7p. DOI: 10.1371/journal.pbio.1002453.
46. NABIC: A New Access Portal to Search, Visualize, and Share Agricultural Genomics Data. By: Young-Joo Seol; Tae-Ho Lee; Dong-Suk Park; Chang-Kug Kim. *Evolutionary Bioinformatics*. 2016, Issue 12, p51-58. 8p. DOI: 10.4137/EBO.S34493.
47. Centralizing content and distributing labor: a community model for curating the very long tail of microbial genomes. By: Putman, Tim E.; Burgstaller-Muehlbacher, Sebastian; Waagmeester, Andra; Chunlei Wu; Su, Andrew I.; Good, Benjamin M. *Database: The Journal of Biological Databases & Curation*. 2016, Vol. 2016, p1-11. 11p. DOI: 10.1093/database/baw028.
48. Meta-aligner: long-read alignment based on genome statistics. By: Nashta-ali, Damoon; Aliyari, Ali; Moghadam, Ahmad Ahmadian; Edrisi, Mohammad Amin; Motahari, Seyed Abolfaz; Khalaj, Babak Hossein. *BMC Bioinformatics*. 2/23/2017, Vol. 18, p1-9. 9p.
49. DBT propelled national effort in creating mutant resource for functional genomics in rice. By: Amitha Mithra, S. V.; Kar, M. K.; Mohapatra, T.; Robin, S.; Sarla, N.; Seshashayee, M.; Singh, K.; Singh, A. K.; Singh, N. K.; Sharma, R. P. *Current Science (00113891)*. 2/25/2016, Vol. 110 Issue 4, p543-548. 6p.
50. Designed nucleases for targeted genome editing. By: Lee, Junwon; Chung, Jae-Hee; Kim, Ho Min; Kim, Dong-Wook; Kim, Hyongbum. *Plant Biotechnology Journal*. Feb2016, Vol. 14 Issue 2, p448-462. 15p.
51. Biotechnology and apple breeding in Japan. By: Igarashi, M.; Hatsuyama, Y.; Harada, T.; Fukasawa-Akada, T.; *Breeding Science*; 66(1), Tokyo:Japanese Society of Breeding,2016,18-33(Journal Article).
52. A Gene-Oriented Haplotype Comparison Reveals Recently Selected Genomic Regions in Temperate and Tropical Maize Germplasm. By: He, Cheng; Fu, Junjie; Zhang, Jie; Li, Yongxiang; Zheng, Jun; Zhang, Hongwei; Yang, Xiaohong; Wang, Jianhua; Wang, Guoying. *PLoS ONE*. 1/18/2017, Vol. 12 Issue 1, p1-15. 15p.